

# Ángel Martín Domínguez

## Contacto

610282748

angelsnake95@gmail.com

<https://www.linkedin.com/in/angel-martin-dominguez-560040155>

## Aptitudes

### Habilidades técnicas:

- **Metabarcoding, metagenómica y metatranscriptómica** (Kraken2, Bracken, QIIME2).
- **Secuenciación NGS** (FastQC, SAMtools, Hisat2, SPAdes, etc.).
- **Transcriptómica bulk y single-cell** (DESeq2, Seurat, clusterProfiler, ChIP-Seeker).
- **Anotación** (Prokka, Augustus, topGO).

### Habilidades adicionales:

- **Proactivo**
- **Buena comunicación oral**
- **Resolución de problemas**
- **Flexibilidad y adaptación**
- **Organización**

## Lenguajes

- **Python** (avanzado)
- **R** (avanzado)
- **BaSH** (terminal)
- **HPC** (sistema de colas SLURM)
- **C++** (básico)
- **HTML y PHP** (básico)

## Idiomas

- **Español:** nativo
- **Inglés:** intermedio B2 (FCE)

Soy un biólogo con amplios conocimientos en bioinformática, biología molecular y biotecnología. Mis principales áreas de conocimiento son meta-ómicas, transcriptómica y microbiología. Destaco por mi pasión por la investigación usando herramientas bioinformáticas para solucionar problemas biológicos y mi capacidad de adaptación a cualquier tipo de herramienta y trabajo de laboratorio.

## Experiencia

**[Noviembre, 2023 – Enero, 2025] – Estudio metatranscriptómico de la microbiota de mosquitos *Anopheles* en casos de malaria** (Universidad Pablo de Olavide, Instituto de Parasitología y Biomedicina “López-Neyra”):

- Análisis taxonómico de la microbiota por medio de Kraken2, Bracken y scripts personalizados de PERL y R (metagenomeSeq).
- Identificación de taxones diferencialmente abundantes entre condiciones de resistencia y susceptibilidad a malaria respecto controles.

**[Junio, 2021 – Abril, 2022] – Estudio del pangenoma de *Klebsiella pneumoniae* en busca de genes de resistencia a antibióticos** (Universidad Pablo de Olavide):

- Análisis bioinformático del pangenoma de *K. pneumoniae* utilizando scripts personalizados de BaSH, PERL y R.
- Se ha encontrado un megaplásmido de virulencia con un sistema CRISPR-Cas IV-A3 delecionado.

**[Septiembre, 2015 – Junio, 2020] – Experiencia práctica durante formación en grado biología** (Universidad de Sevilla):

- Tinciones de bacterias, fluorescencia y endosporas (hisopo).
- Cultivos bacterianos en placa y en líquido.
- PCR, Western Blot y Electroforesis en agarosa.

## Formación Académica

**[Octubre, 2023 – Enero, 2025] – Máster Análisis Bioinformático Avanzado** (Universidad Pablo de Olavide).

**[Octubre, 2022 – Junio, 2023] – Diploma Especialización Análisis Bioinformático** (Universidad Pablo de Olavide)

**[Septiembre, 2020 – Mayo, 2022] – Máster Biotecnología Ambiental, Industrial y Alimentaria, Especialidad en Biotecnología Industrial y Alimentaria** (Universidad Pablo de Olavide).

**[Septiembre, 2015 – Junio, 2020] – Grado Biología** (Universidad de Sevilla).

## Contribuciones

**[Junio, 2024] – Presentación de Póster en Jornadas Andaluzas de Bioinformática II (JABI 2024) [\[Link\]](#)**

Tema – Microbiota and mosquito-borne diseases: A metatranscriptomics workflow for the taxonomic and functional profiling of these unexpected guests.